
Metagenómica clínica

Biología molecular

INFORME MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL
MBIxxxxxxxxxx



PACIENTE:

Nº PACIENTE:

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	6,215	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,170	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal*	26,984	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	2,349	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	10,840	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	37,412	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	21,989	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	22,093	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,807	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,209	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	32,200	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	1,724	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras*	0,769	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	2,209	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	19,264	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	15,021	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	3,314	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,635	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,031	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,000	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,035	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	6,215	20 - 50
Microbiota productora de GABA*	36,642	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,012	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,176	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	1,315	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	4,938	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,017	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 6,215*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Anaerostipes hadrus	Bacillota	1,815	0,20 - 1,40	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,708	0,50 - 5,00	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,589	0,10 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,548	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,446	0,01 - 0,10	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,399	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,396	0,20 - 1,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,243	5,00 - 15,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,193	1,00 - 3,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,181	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,169	0,20 - 1,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,129	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,129	1,00 - 5,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,122	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,089	0,70 - 2,70	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,077	0,00 - 0,50	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,064	0,00 - 0,10	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,038	0,00 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,029	0,10 - 1,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,024	1,00 - 10,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,021	1,00 - 5,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,020	0,00 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,019	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,019	0,50 - 2,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,019	0,00 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,015	0,50 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,013	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,011	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,007	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,005	0,10 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,005	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,005	0,25 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,003	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,003	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,170*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,161	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,008	2,00 - 5,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 26,984*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	11,815	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	4,658	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	4,277	0,25 - 2,80	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	2,858	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,028	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,161	0,50 - 4,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 2,349*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia obeum	Bacillota	0,604	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,604	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,548	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,446	0,01 - 0,10	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,397	0,08 - 2,45	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,175	0,01 - 0,50	neutral
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,161	0,50 - 4,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,104	0,10 - 0,50	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,058	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,021	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,021	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,015	0,10 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,015	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,011	0,10 - 5,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,008	0,01 - 0,74	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,007	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,006	0,01 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,005	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,003	0,06 - 0,10	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Leuconostoc mesenteroides	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Ruminococcus gausvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Lactobacillus	Bacillota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	neutral
Bacillus pseudomycooides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycooides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus siamensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 10,840

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	4,658	0,10 - 0,50	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,967	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,967	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,400	0,50 - 2,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,635	0,10 - 0,50	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,604	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,604	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,548	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,397	0,08 - 2,45	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,169	0,20 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,164	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,104	0,10 - 0,50	neutral
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,089	0,70 - 2,70	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,058	0,01 - 0,04	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,021	0,01 - 0,30	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,019	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,019	0,50 - 2,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,018	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,015	0,10 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,014	0,07 - 0,80	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,011	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,007	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,006	0,01 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,005	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,004	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,004	0,30 - 2,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,003	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Leuconostoc mesenteroides	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium choerinum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 37,412

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	11,815	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	4,658	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	4,277	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	3,181	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	2,176	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,028	0,50 - 5,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,967	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,967	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,675	0,50 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,604	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,604	0,30 - 2,00	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,589	0,10 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,548	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,480	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,446	0,01 - 0,10	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,257	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,257	0,50 - 5,00	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,248	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,191	0,08 - 0,30	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,164	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,161	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,061	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,051	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,050	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,050	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,025	0,00 - 0,10	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,021	0,10 - 5,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,021	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,021	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,019	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,019	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,019	0,50 - 2,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,018	0,10 - 1,00	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,018	1,00 - 8,00	neutral
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,016	0,00 - 0,01	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,015	0,10 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,014	0,07 - 0,80	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,013	0,00 - 0,01	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,008	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,008	0,01 - 0,74	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,008	0,01 - 0,50	confiable

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,005	0,05 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,005	0,50 - 5,00	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,004	0,30 - 2,00	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,003	0,10 - 5,00	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,003	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,003	0,00 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,002	0,50 - 2,50	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 21,989

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	11,815	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	4,277	0,25 - 2,80	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	1,815	0,20 - 1,40	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,675	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,635	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,480	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Enterocloster boltea	[p] Bacillota	0,355	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,191	0,08 - 0,30	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,175	0,01 - 0,50	neutral
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,173	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,139	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,104	0,10 - 0,50	neutral
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,097	0,00 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,061	0,18 - 0,80	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,058	0,01 - 0,04	confiable
Clostridium	Bacillota	0,054	0,20 - 1,00	neutral
Alistipes communis	Bacteroidota	0,051	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,050	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,050	0,01 - 0,30	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,029	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,015	0,00 - 0,50	neutral
Enterobacter	Pseudomonadota	0,015	0,10 - 0,50	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,012	0,00 - 0,01	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,012	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,006	0,01 - 0,10	confiable
Acidaminococcus fermentans	Bacillota	0,005	0,00 - 0,04	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,005	0,05 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Parabacteroides sp. CT06	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Selenomonas ruminantium	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella oxytoca	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Especies / Subspecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella aerogenes	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lancefieldella		Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Streptomyces		Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cloacae	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella michiganensis		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Cronobacter sakazakii	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Megasphaera stantonii		Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Citrobacter freundii	[F][p]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter hormaechei		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Pseudomonas putida		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus mundtii		Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus siamensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus pseudomycooides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycooides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Metabacillus sediminilitoris		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 22,093

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	11,815	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	4,658	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	2,858	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,675	0,50 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,604	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,604	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,399	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,396	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,355	0,00 - 0,07	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,169	0,20 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,164	0,07 - 0,80	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,094	0,02 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,089	0,70 - 2,70	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,058	0,01 - 0,04	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,029	0,00 - 0,01	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,021	0,01 - 0,30	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,014	0,07 - 0,80	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,008	0,01 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,003	0,06 - 0,10	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,807

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,635	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,139	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,015	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium perfringens	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,209

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	2,175	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,139	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,018	1,00 - 8,00	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,012	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium formicaceticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 32,200

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	11,815	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	4,658	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	4,277	0,25 - 2,80	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,967	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,967	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,844	0,50 - 1,50	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,400	0,50 - 2,30	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	1,366	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,988	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,480	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,257	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,257	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,243	5,00 - 15,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,191	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,061	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,051	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,050	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,050	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,026	0,30 - 2,70	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,018	0,10 - 1,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,008	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,005	0,05 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,724

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	1,543	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,161	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,018	0,01 - 1,50	neutral
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,018	0,01 - 1,50	confiable
Dialister succinatiphilus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Dialister hominis	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,769*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,675	0,50 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,058	0,01 - 0,04	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,014	0,07 - 0,80	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,007	0,01 - 0,30	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,006	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 2,209

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,028	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,181	0,20 - 1,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 19,264

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	4,658	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	3,181	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	2,858	0,03 - 0,30	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	2,176	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,028	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,844	0,50 - 1,50	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,708	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,675	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,635	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,243	5,00 - 15,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,169	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,089	0,70 - 2,70	confiable
Clostridium	Bacillota	0,054	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 15,021

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	4,658	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	3,181	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,028	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,675	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,635	0,10 - 0,50	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,589	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,480	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,191	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,161	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,061	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,051	0,25 - 2,00	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,041	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,026	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,024	1,00 - 10,00	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,023	0,00 - 0,01	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,014	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,008	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,005	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,004	1,00 - 2,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,07	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible
Fusobacterium gonidiaformans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 3,314

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	2,858	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,399	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,396	0,20 - 1,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,054	0,20 - 1,00	neutral
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,004	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,004	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,635

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,635	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,031

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	2,175	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,014	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Providencia rettgeri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,000

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,015	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus siamensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus pseudomycooides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycooides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Paenisporsarcina	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,035

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,635	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,399	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,396	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 36,642*

Especies / Subespecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	3	Bacteroidota	11,815	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	1	Bacteroidota	4,658	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	3	Bacteroidota	4,277	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens		Bacteroidota	3,181	0,50 - 5,00	confiable
Dorea longicatena		Bacillota	2,644	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola dorei	2	Bacteroidota	2,176	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	3	Bacteroidota	2,028	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae		Bacteroidota	1,844	0,50 - 1,50	confiable
Parabacteroides distasonis	3	Bacteroidota	1,400	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides ovatus	1	Bacteroidota	0,675	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii		Bacteroidota	0,480	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii		Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301		Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242		Bacteroidota	0,191	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	1	Bacteroidota	0,161	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii		Bacteroidota	0,061	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,050	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,050	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis		Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Eubacterium callanderi		Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum		Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus		Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum		Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Eubacterium limosum		Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Bifidobacterium adolescentis		Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus		Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Lactiplantibacillus plantarum		Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,012*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,015	0,00 - 0,50	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,012	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus siamensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus pseudomycooides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycooides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Brevibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,176*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,139	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 1,315

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,635	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,397	0,08 - 2,45	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,139	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,097	0,00 - 0,50	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,016	0,00 - 0,01	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,013	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 4,938

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,844	0,50 - 1,50	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,822	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,480	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,469	0,18 - 0,80	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,397	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,191	0,08 - 0,30	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,139	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,061	0,18 - 0,80	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,012	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,007	0,00 - 0,01	neutral
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Desulfovibrio sp. G11	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Pyramidobacter piscicolens	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Oleidesulfovibrio alaskensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfococcus multivorans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Desulfobulbus oralis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,02

Porcentaje relativo de archaea: 13,11

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	11,475	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. AbM4	Euryarchaeota	0,656	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina acetivorans	Euryarchaeota	0,328	0,00 - 0,07	neutral
Methanosarcina acetivorans C2A	Euryarchaeota	0,328	0,00 - 0,07	posible
Methanospirillum hungatei	Euryarchaeota	0,328	0,00 - 0,07	neutral

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente .

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

Laboratorios Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorios Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal , y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico.

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable:

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según las disponibilidades de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral:

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible:

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN** de la **CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.